

REPLACEMENT SHEET

1/5

FIGURE 1A

1 atggcccaag tccgtgtctg gtcgtatgttg tggatggatggc cggggatgtgt
51 gctgtccacg ggcacccaggc aaggatcccg gtcgtatgttg cggatggatggc
101 tggggggcgtc ccacccgggg ctcggggatgg cccgggatggc cggatggatggc
151 ccggatggatgg cccggggatgg cccgggatggc cggatggatggc
201 gggggccggc tggggggcagg gttactatgtt ggatgtgtcc tggatggatggc
251 ccggatggatgg gtcgtatgttg ctcggggatgg cccgggatggc taaatttgtca
301 tgggggtgtc ccccccaccc ttcgtatgttg cccgggatggc taaatttgtca
351 gtcggcgtca tccggggcgg tccggggatgg tttgtatgttg cccggatggc
401 aggggatggc gggatggatgg ctcggcgtca ttcgtatgttg cccggatggc
451 gggcccaatgg tcactgtggc tggatggatgg ctcgtatgttg cccggatggc
501 ccggatggatgg ttcgtatgttg ctcggggatgg cccgggatggc
551 atgtatgtatgg tggatggatgg ttcgtatgttg cccggatggc
601 gggatggatgg gtcgtatgttg ctcggggatgg ttcgtatgttg cccggatggc
651 ctcggatggatgg ttcgtatgttg ctcggggatgg ttcgtatgttg cccggatggc
701 atggatggatgg ttcgtatgttg ctcggggatgg ttcgtatgttg cccggatggc
751 tggatggatgg ttcgtatgttg ctcggggatgg ttcgtatgttg cccggatggc
801 tcggatggatgg ttcgtatgttg ctcggggatgg ttcgtatgttg cccggatggc
851 gtcggatggatgg ttcgtatgttg ctcggggatgg ttcgtatgttg cccggatggc
901 tcggatggatgg ttcgtatgttg ctcggggatgg ttcgtatgttg cccggatggc
951 gtcggatggatgg ttcgtatgttg ctcggggatgg ttcgtatgttg cccggatggc
1001 gttatcaatgg ttcgtatgttg ctcggggatgg ttcgtatgttg cccggatggc
1051 gttatcaatgg ttcgtatgttg ctcggggatgg ttcgtatgttg cccggatggc
1101 tggatggatgg ttcgtatgttg ctcggggatgg ttcgtatgttg cccggatggc
1151 tggatggatgg ttcgtatgttg ctcggggatgg ttcgtatgttg cccggatggc
1201 atccatcaca gtcgtatgttg ctcggggatgg ttcgtatgttg cccggatggc
1251 tcgtatgttg ctcggggatgg ttcgtatgttg ctcggggatgg ttcgtatgttg
1301 gggatggatgg ttcgtatgttg ctcggggatgg ttcgtatgttg cccggatggc
1351 atccatcaca tggatggatgg ttcgtatgttg ctcggggatgg ttcgtatgttg

FIGURE 1B

BACE501: 1 MAQALFWILLWNGA3VLFARQTMQGIRLPLRSGLAGAPLGLRLPRSTDDEPHEEPGPRGSP 60
MAQALFWILLWNGA3VLFARQTMQGIRLPLRSGLAGAPLGLRLPRSTDDEPHEEPGPRGSP
BACE455: 1 MAQALFWILLWNGA3VLFARQTMQGIRLPLRSGLAGAPLGLRLPRSTDDEPHEEPGPRGSP 60

BACE501: 61 VEMVDNLPGEKSGQGYVEMTVCSPPPQTTLNIIIVLDTGSSNFIAVGAAPHPFLHRYYQRQLSST 120
VEMVDNLPGEKSGQGYVEMTVCSPPPQTTLNIIIVLDTGSSNFIAVGAAPHPFLHRYYQRQLSST
BACE455: 61 VEMVDNLPGEKSGQGYVEMTVCSPPPQTTLNIIIVLDTGSSNFIAVGAAPHPFLHRYYQRQLSST 120

BACE501: 121 YRDLRKGIVVVFYPTQKWEGLGTDILVSIIPNGPNVTVRANIAAITESDKPFINGSNWEGIL 180
YRDLRKGIVVVFYPTQKWEGLGTDILVSIIPNGPNVTVRANIAAITESDKPFINGSNWEGIL
BACE455: 121 YRDLRKGIVVVFYPTQKWEGLGTDILVSIIPNGPNVTVRANIAAITESDKPFINGSNWEGIL 180

BACE501: 181 GLAYAIIAKPIDSLEPPF03LVKQTHVPNLFLQLCGAGFPLQQSEVLAQVQKSMIIIGGI 240
GLAYAIIAKPIDSLEPPF03LVKQTHVPNLFLQLCGAGFPLQQSEVLAQVQKSMIIIGGI
BACE455: 181 GLAYAIIAKPIDSLEPPF03LVKQTHVPNLFLQLCGAGFPLQQSEVLAQVQKSMIIIGGI 240

BACE501: 241 DMSLYTGSLLWYTPIRREWYXEVLIIVRVEINGQDLMKMDCKEYNYDKSIVDLSGTTNLRLPFK 300
DMSLYTGSLLWYTPIRREWYXEVLIIVRVEINGQDLMKMDCKEYNYDKSIVDLSGTTNLRLPFK
BACE455: 195 DMSLYTGSLLWYTPIRREWYXEVLIIVRVEINGQDLMKMDCKEYNYDKSIVDLSGTTNLRLPFK 254

BACE501: 301 VPKRAAVKSIKAASSTEKFHDGPWLGEQLVCWQAGTTTPNNIIFPVVISLYLMQEVTNQSPRTT 360
VPKRAAVKSIKAASSTEKFHDGPWLGEQLVCWQAGTTTPNNIIFPVVISLYLMQEVTNQSPRTT
BACE455: 265 VPKRAAVKSIKAASSTEKFHDGPWLGEQLVCWQAGTTTPNNIIFPVVISLYLMQEVTNQSPRTT 314

BACE501: 361 ILPQQYLRLPVEDVATEQDDCYKPAISQSTSITGIVMAGVIMEGFYVVDFDARKRIGFAVSAC 420
ILPQQYLRLPVEDVATEQDDCYKPAISQSTSITGIVMAGVIMEGFYVVDFDARKRIGFAVSAC
BACE455: 315 ILPQQYLRLPVEDVATSQDLCYKPAISQSTSITGIVMAGVIMEGFYVVDFDARKRIGFAVSAC 374

BACE501: 421 HVHDEFRATAAVV3PFVTLDMEDCGYNIPQQTDBHSTLMITIAYVMAAI CALFMLPLCLMVQCW 480
HVHDEFRATAAVV3PFVTLDMEDCGYNIPQQTDBHSTLMITIAYVMAAI CALFMLPLCLMVQCW
BACE455: 375 HVHDEFRATAAVV3PFVTLDMEDCGYNIPQQTDBHSTLMITIAYVMAAI CALFMLPLCLMVQCW 424

BACE501: 481 RCLRCLRQQHDFADDISLILK 501
RCLRCLRQQHDFADDISLILK
BACE455: 435 RCLRCLRQQHDFADDISLILK 455

REPLACEMENT SHEET

2/5

FIGURE 2A

FIGURE 2B

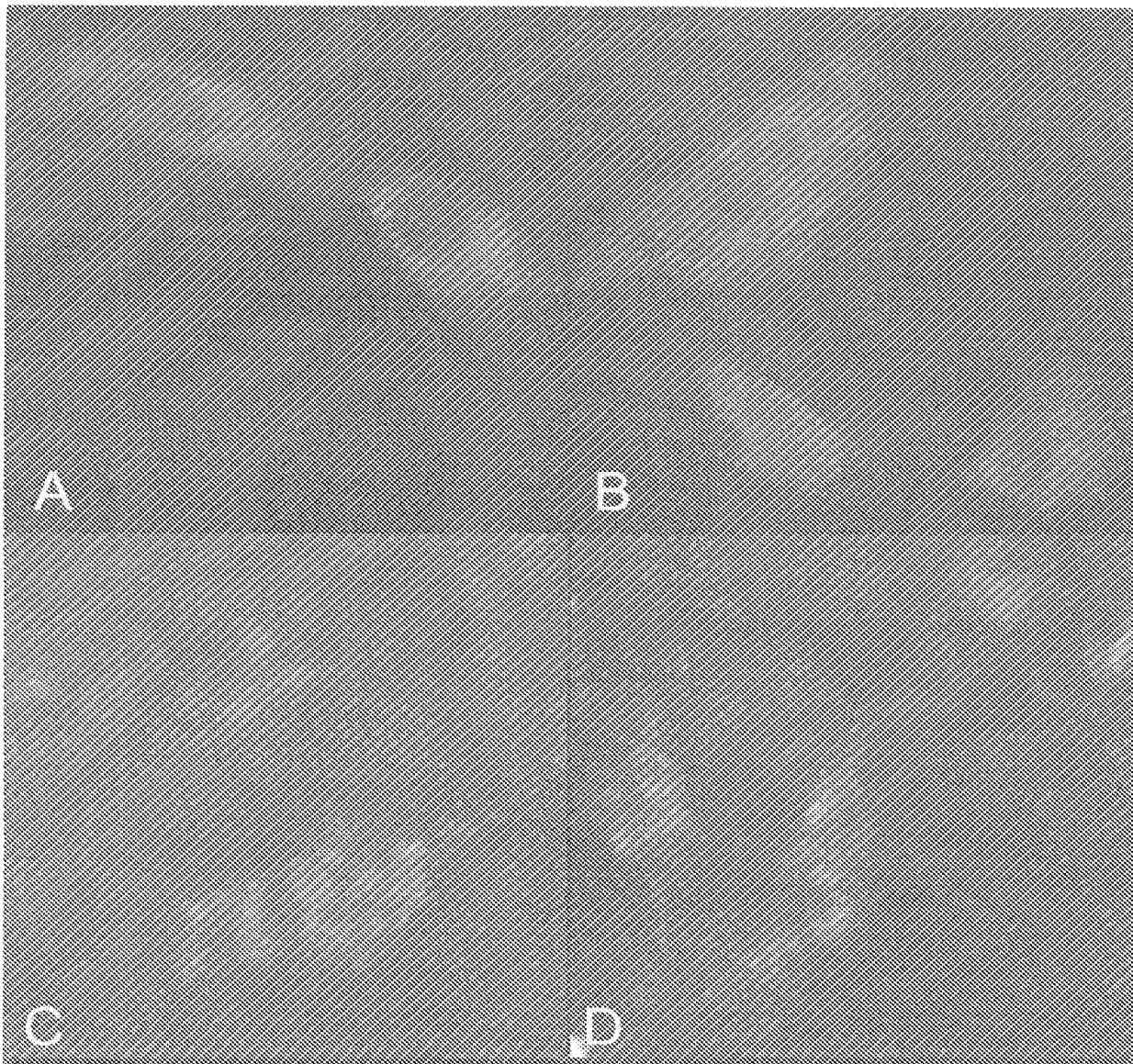


FIGURE 2C

FIGURE 2D

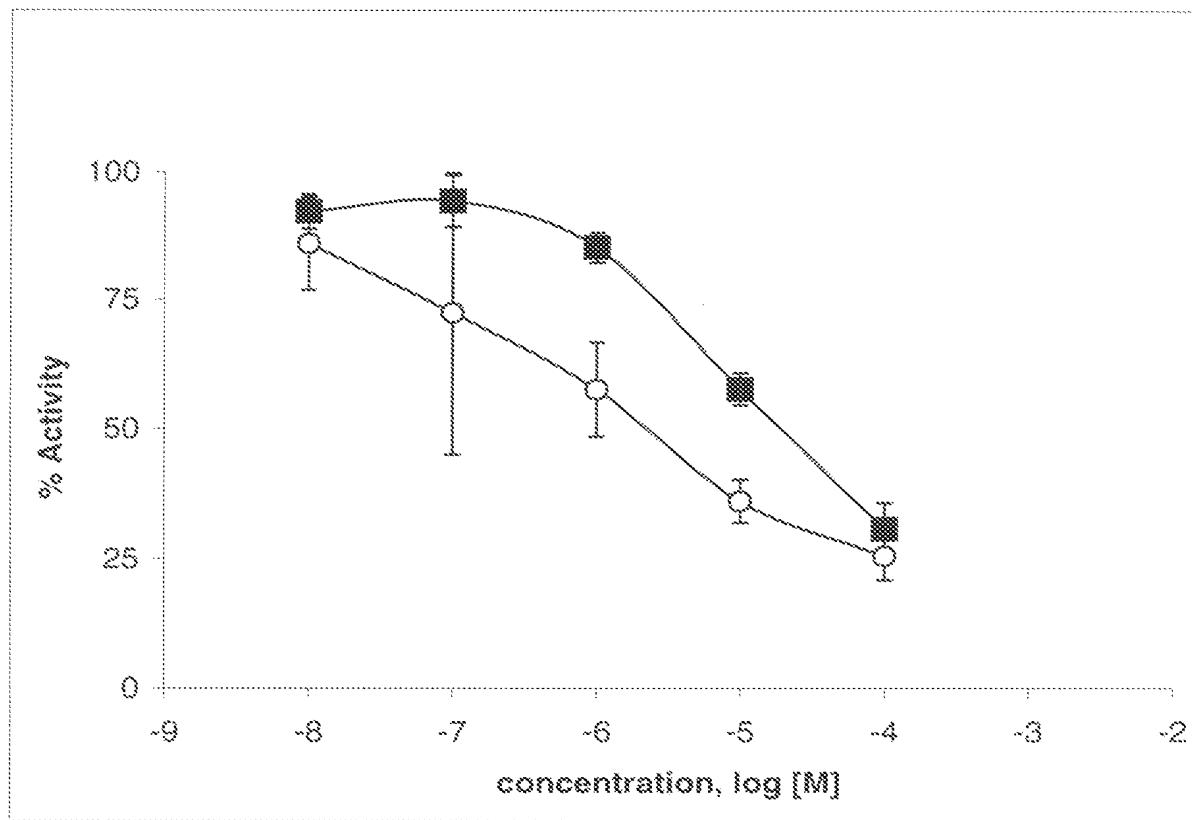


Figure 3

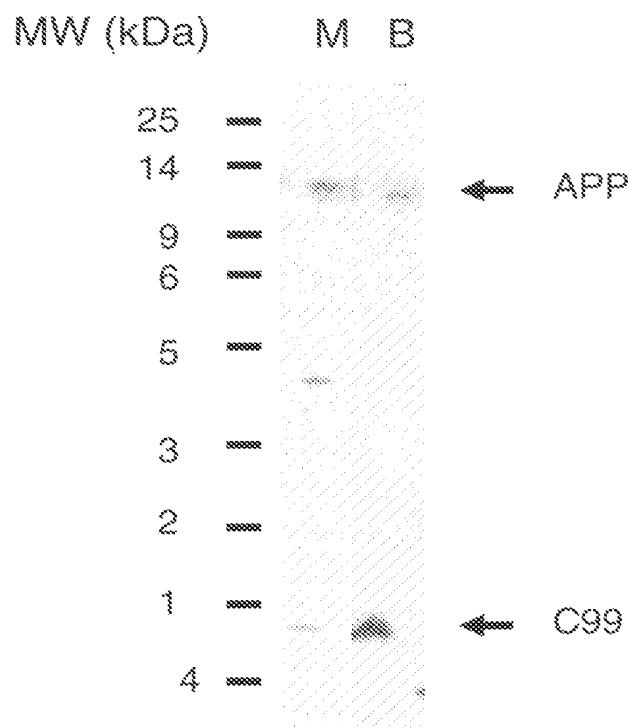


Figure 4



Figure 5